

Solicitud de Servicio



- **Fecha:**
- Nombre del/la investigador/a solicitante:
- Email:
- **Servicio que se solicita:**

Seleccione entre las opciones que verá a continuación. Si no encuentra el servicio que necesita, indíquelo al final del formulario (en "más detalles")

 - **Preparación de librerías:**

Indique la cantidad de muestras que se han de preparar:

 - **De DNA:**
 - Con extracción de DNAIndique qué tipo de muestras son:
 - Sin extracción de DNA
 - **De RNA**
 - Con extracción de RNAIndique qué tipo de muestras son:
 - Sin extracción de RNA
 - **HiC**
 - Con extracción de DNAIndique qué tipo de muestras son:
 - Sin extracción de DNA
 - **ddRad**
 - Con extracción de DNAIndique qué tipo de muestras son:
 - Sin extracción de DNA
 - Otra (especificar):
 - **Servicio de qPCR:**

Por favor indique el tipo de **fluoróforo** a utilizar:

 - SYBR Green
 - Sondas de hidrólisis
 - Otras (especificar)

Indique el tipo de **Servicio** que necesita:

- Recta de eficiencia

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Análisis de expresión génica

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Cuantificación absoluta

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Otro (especificar):

▪ **Servicio de Clonaje:**

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Con extracción de DNA

Indique qué tipo de muestras son:

- Clonaje por PCR - Ligación -Transformación - Screening - Miniprep.
- Otro (especificar):

▪ **Retrotranscripción:**

- Con extracción de RNA

Indique qué tipo de muestras son:

- Sin extracción de RNA

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

▪ **Servicio de sgRNA (para CRISPR)**

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Diseño de la sgRNA
- Síntesis de la sgRNA por clonaje.

▪ **Servicio de dsRNA (para RNAi)**

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

Por favor indicar el punto de partida:

- Diseño del fragmento de dsRNA
- Clonaje del inserto
- Desde la miniprep
- Otro (especificar)

▪ **Fragment Analyzer** (preparación placa). La lectura de la placa la realiza el Servicio de Genómica de la UPF.

Indique la cantidad de muestras que se han de tratar:

- Rox 1000
- Liz 600
- Otro (especificar):

- **Más detalles:**

Firma del/la Investigador/a